

Caracterización biológica y molecular de cepas de *Panstrongylus* sp. nativas del Perú

Biological and molecular characterization of *Panstrongylus* sp. native of Peru

Cesar Hugo Jeri Apaza^{1,a}, Hila Solis Acosta^{1,b}

¹ Instituto de Medicina Tropical Daniel A. Carrión, Facultad de Medicina, Universidad Nacional Mayor de San Marcos. Lima, Perú.

^a Bióloga, ORCID: <https://orcid.org/0000-0002-4610-7570>

An Fac med. 2020;81(2):186-9. / DOI: <https://doi.org/10.15381/anales.v81i2.18157>.

Correspondencia:

Cesar Jeri Apazacesa
Jeri@yahoo.es

Recibido: 23 de diciembre 2019

Aceptado: 29 de mayo 2020

Publicación en línea: 30 de junio 2020

Conflictos de interés: El autor declara no tener conflictos de interés.

Fuente de financiamiento:

Vicerrectorado de Investigación y Posgrado, Universidad Nacional Mayor de San Marcos. Proyecto CONCON 2015.

Citar como:

Jeri C, Solis H. Caracterización biológica y molecular de cepas de *Panstrongylus* sp. nativas del Perú. An Fac med. 2020;81(2):186-9. DOI: <https://doi.org/10.15381/anales.v81i2.18157>.

Resumen

Objetivo. Determinar las características biológicas y moleculares de las cepas de *Panstrongylus* sp. nativas del norte del Perú. **Métodos.** Estudio observacional, descriptivo. Se utilizó material biológico procedente de 5 diferentes regiones del norte del Perú, y por muestreo intencional se seleccionó una muestra de 50 especímenes. Para la caracterización de los especímenes a nivel molecular, se usó el marcador ITS-2 del ADN ribosomal, mediante la técnica del PCR. **Resultados.** El 100% de las muestras fueron clasificadas como *Panstrongylus herreri*. A nivel molecular se observaron 3 patrones diferentes de la banda ITS-2: 960pb, 800pb y 750pb. **Conclusión.** 100% de las muestras fueron *Panstrongylus herreri*, capturados en ambientes intradomiciliarios de regiones del norte del Perú, con un patrón de ITS-2.

Palabras clave: Biología Molecular; *Panstrongylus*; Enfermedad de Chagas; Perú (fuente: DeCS BIREME).

Abstract

Objective. To determine the biological and molecular characteristics of the *Panstrongylus* sp. native to northern Peru. **Methods.** Observational, descriptive study. Biological material from 5 different regions of northern Peru was used, and a sample of 50 specimens was selected by intentional sampling. For the characterization of the specimens at the molecular level, the ITS-2 marker of ribosomal DNA was used, using the PCR technique. **Results.** 100% of the samples were classified as *Panstrongylus herreri*. At the molecular level, 3 different patterns of the ITS-2 band were observed: 960bp, 800bp and 750bp. **Conclusion.** 100% of the samples were *Panstrongylus herreri*, captured in intra-household environments in northern regions of Peru, with an ITS-2 pattern.

Keywords: Molecular Biology; *Panstrongylus*; Chagas Disease; Peru (source: MeSH NLM).

INTRODUCCIÓN

Los triatomíneos son insectos hematófagos pertenecientes a la familia Reduviidae y de la subfamilia Triatominae. Tienen importancia epidemiológica porque un grupo de ellos transmiten el protozooario *Trypanosoma cruzi*, el agente etiológico de tripanosomiasis americana, conocida como la enfermedad de Chagas. En el norte del Perú existe una gran diversidad de triatomíneos que cumplen el rol de vector para la transmisión de parásito *Trypanosoma cruzi* ^(1,2,3,4) y uno de ellos, el más importante, es el triatomíneo *Panstrongylus herreri*, por encontrarse en mayor porcentaje (más del 90%) en los estudios de campo realizados en la zona norte o nororiente del país, encontrando la mayoría de sus estadios en áreas intradomiciliarias ⁽⁵⁾; así por ejemplo, se ha reportado la presencia de este triatomíneo en los departamentos de Piura, Cajamarca y Amazonas ⁽¹⁰⁾.

Para la clasificación de los vectores de los distintos parásitos, la taxonomía es una herramienta base ⁽⁶⁾; sin embargo, en los últimos años se ha complementado con herramientas moleculares para realizar un análisis más exacto y rápido. Marcilla en el 2001 utilizó la región del segundo separador transcrito interno de ADN ribosomal (ITS-2) como marcador molecular para poder resolver relaciones existentes entre distintas poblaciones de triatomíneos. Esto permitió diferenciar a los triatomíneos por el tamaño (número de pares de bases) de amplificación de dicha región ⁽⁷⁾. Luego, en 2002 Marcilla realizó un estudio con los distintos géneros de *Panstrongylus* indicando que *Panstrongylus herreri* y *Panstrongylus lignarius* son la misma especie. Estos estudios apoyan que dichas regiones de ADN son muy importantes para estudios filogenéticos y a varios niveles taxonómicos ⁽⁸⁾.

En el Perú, los estudios moleculares por PCR en triatomíneos, sobre todo en la región norte del país, son escasos. El único realizado fue en el año 2008 por Ancca, quien realizó un estudio en los departamentos de Cajamarca y Amazonas, reportando la presencia de *Panstrongylus herreri* infectados por *Trypanosoma cruzi*, y encontrando una amplificación de la región ITS-2 de 960 pares de bases (pb) ⁽⁹⁾.

Si bien se ha reportado la presencia de este vector en zonas donde antes no se había reportado ^(5,10), es aún desconocida su presencia en otras áreas geográficas de nuestro país. Así, el objetivo de la presente investigación fue determinar las características biológicas y moleculares de las cepas de *Panstrongylus* sp. nativas del Perú, reportadas en distintas regiones del Perú. Además de caracterizarlas y agruparlas genéticamente para su mejor estudio y control, utilizando el marcador molecular ITS-2 del ADN ribosomal, mediante la técnica del PCR ^(11,12).

MÉTODOS

Se realizó un estudio observacional descriptivo, en los departamentos de Trujillo (Trujillo), Amazonas (Bagua), Cajamarca (Cajabamba, Chota), y Ucayali (Pucallpa- Campo verde). La recolección de vectores se realizó desde setiembre 2014 a abril de 2015; y la identificación molecular entre agosto 2016 a diciembre 2019.

Recolección de triatomíneos

Se realizó la colección de muestras de vectores según el protocolo realizado por Solís et al. ⁽⁴⁾ donde la colecta de especímenes se realiza principalmente en la mañana en zonas intradomiciliarias, recolectando manualmente en bolsas de plástico para luego ser trasladados a frascos de boca ancha cubiertos con un tul para mantenerlos vivos, rotulados según fecha de captura, procedencia y en qué ambiente se encontraron. Las muestras obtenidas fueron remitidas al Laboratorio de Serología y Bioquímica Parasitaria del Instituto de Medicina Tropical Daniel A. Carrión de la Facultad de Medicina de la Universidad Nacional Mayor de San Marcos. Todos los especímenes de triatomíneos (ninfas y/o adultos hembras y machos) fueron identificados según la clave dicotómica de Lent & Wygodzinsky ⁽¹³⁾. Los triatomíneos colectados se mantuvieron en frascos de vidrio cubiertos con tul para una adecuada oxigenación y facilitar su supervivencia; asimismo, fueron alimentados con sangre de aves (pollos) hasta el momento de la extracción de ADN.

Población y muestra

La población la conformó el material biológico recolectado, que consistió en

especímenes de *Panstrongylus* sp. procedentes de las regiones donde se hizo la recolección. Por medio de muestreo intencional, se seleccionó una muestra de 50 especímenes: 10 especímenes de cada región.

Identificación biológica y molecular

Se utilizó como técnica la observación, y como instrumento la lista de verificación. La observación se hizo mediante la caracterización de los especímenes de *Panstrongylus* sp. para su agrupación taxonómica, y para su identificación molecular se utilizó el marcador molecular ITS-2 del ADN ribosomal para su amplificación mediante la técnica de PCR ^(8,9,11,12).

El procedimiento de extracción de ADN se realizó entre los meses de diciembre 2015 y agosto del 2016. El ADN genómico del vector se obtuvo a partir de las patas de cada insecto, utilizando protocolos realizados por Ancca ⁽⁹⁾ y Fraga ⁽¹⁴⁾. La extracción del ADN genómico se realizó utilizando el kit DNeasy tissue handbook de QUIAGEN® con un ajuste de resuspensión final de 200 µL.

Luego de la extracción de ADN se realizó la amplificación de la región ITS-2 del ADNr con los primers específicos ⁽⁸⁾.

Síntesis de primers

Se sintetizaron los primers (cebadores/ iniciadores) para la amplificación de la región ITS-2 del ADNr. Los primers que se utilizaron fueron los siguientes: 5.8T (5'CATAGC GGT GGA TCA CTC GG) y 28T (5'GCACTAT CAA GC A ACA CGA CTC) ^(8,9).

Estandarización del PCR

Para realizar el PCR se consideró la concentración final de la reacción de PCR fue de 1X para el buffer de reacción de Taq polimerasa, 4mM de ClMg2 (Invitrogen®), 2 mM para los dNTPs, 1 µM para cada uno de los primers y 1 U Taq DNA Polymerase (Invitrogen®).

Las condiciones para el termociclador fueron: inicio 92°C x 2 minutos; denaturación 92°C por 30 segundos; alineamiento 55°C por 30 segundos; extensión 72°C por 40 segundos. Este proceso se llevó a cabo usando 33 ciclos, luego se finalizó a 72°C por 2 minutos. Los productos fueron visualizados mediante un

gel de agarosa al 1% y teñidos con SYBR green utilizándose el marcador de peso molecular 100 pb.

RESULTADOS

Se observaron especímenes de *Panstrongylus* sp. ninfas, adultos hembras o machos. Todos fueron identificados según la clave dicotómica de Lent⁽¹³⁾ y Wygodzinsky⁽¹⁵⁾, y comparados con la clave de Elliot⁽⁶⁾. El 100% de especímenes evaluados correspondieron morfológicamente a la especie *Panstrongylus herreri*.

Respecto a la caracterización molecular se observó la amplificación de una banda de interés: ITS-2. Las muestras se corrieron por duplicado, además de colocar dos controles negativos a fin de verificar que no había contaminación al momento de preparar las soluciones para el PCR. En las 5 zonas de recolección de muestras, se observaron 3 patrones diferentes de ITS-2 en las muestras de *Panstrongylus herreri*. Las muestras de la zona de Trujillo y Ucayali presentaron una banda de ITS-2 de 960pb, las muestras de las zonas de Cajamarca y Cajabamba presentaron una banda ITS-2 de 800pb, y las muestras de la región de Bagua presentaron una banda de 750pb (Figura 1).

DISCUSIÓN

El género *Panstrongylus* ha sido localizado con denominaciones sinónimas en diversas partes del Perú. Previamente se estableció la presencia del vector en el norte del Perú, predominantemente en los departamentos de Cajamarca y Amazonas, pero con estos resultados se puede afirmar la presencia de *Panstrongylus herreri* en los departamentos de Trujillo y Ucayali.

Mediante la caracterización molecular se pudo comprobar que la banda de ITS-2 de *Panstrongylus herreri* en Perú presentó tres patrones: 960pb (Trujillo, Ucayali); 800pb (Cajamarca, Cajabamba) y 750pb (Bagua). Ancca y colaboradores encontraron en el 2008 muestras de *Panstrongylus herreri* que presentaron una banda ITS-2 de un tamaño 960pb en los departamentos de Cajamarca y Amazonas, dicho tamaño de banda también fue encontrado en las muestras obtenidas en nuestro estudio, en los departamentos de Trujillo y Ucayali respectivamente.

El año 2017 se estableció, por primera vez, la presencia de *Panstrongylus lignarius*, también conocido como *Panstrongylus herreri*, en el estado de Rondonia, Brasil, cuya aparición era preocupante, porque se encontró que esta especie es-

ta infectada naturalmente con *Trypanosoma cruzi* y había evidencia de sus capacidades de encontrarse localizada en otros países de América del Sur⁽¹⁶⁾. Por su parte, Ribero⁽¹⁷⁾ y colaboradores reportaron la presencia de *P. lignarius* (*P. herreri*) en el estado de Acre, zona limítrofe con el departamento de Madre de Dios.

Se ha reportado que *Panstrongylus herreri* es un vector principal de la enfermedad de Chagas, y su éxito como vector se debía a su capacidad para establecer colonias domiciliadas, concluyéndose que, a pesar de haberse detectado una disminución en las tasas de oviposición, el potencial de *P. herreri* como vector de la enfermedad de Chagas en ambientes distintos del Amazonas debe ser considerado⁽¹⁸⁾.

Por su parte, Nevoa, Mendes, da Silva, Soares, Oliveira, Ribeiro⁽¹⁹⁾ en su artículo científico establecieron que los triatominos eran artrópodos hematófagos vectores de *Trypanosoma cruzi*, el agente causante de la enfermedad de Chagas

Además, se ha establecido que *Panstrongylus lignarius*, considerado uno de los triatominos más versátiles porque podía parasitar a diferentes hospederos, se encontraba en diferentes hábitats y países, tenía un comportamiento selvático, peri doméstico y doméstico, y era un vector muy importante de la transmisión de enfermedad de Chagas, especialmente en el Perú⁽¹⁹⁾.

El género *Panstrongylus* se ha localizado con denominaciones sinónimas en diversas partes del Perú; y mediante los resultados de esta investigación, se ha establecido al 100% que las muestras obtenidas fueron *Panstrongylus herreri*. Debido a su gran capacidad de adaptación, es posible ver su movimiento en la zona norte del Perú, Trujillo y Ucayali, y en otras zonas de Sudamérica, Brasil principalmente.

Mediante la caracterización molecular, se demostró que mediante el marcador molecular ITS-2 del ADN ribosomal, se pudo observar 3 patrones diferentes: 960pb; 800pb; 750pb. De los cuales solo el patrón 960pb era el primero en ser reportado en los departamentos de Cajamarca y Amazonas, y en este estudio dicho patrón se encontró en los departamentos de Trujillo y Ucayali.

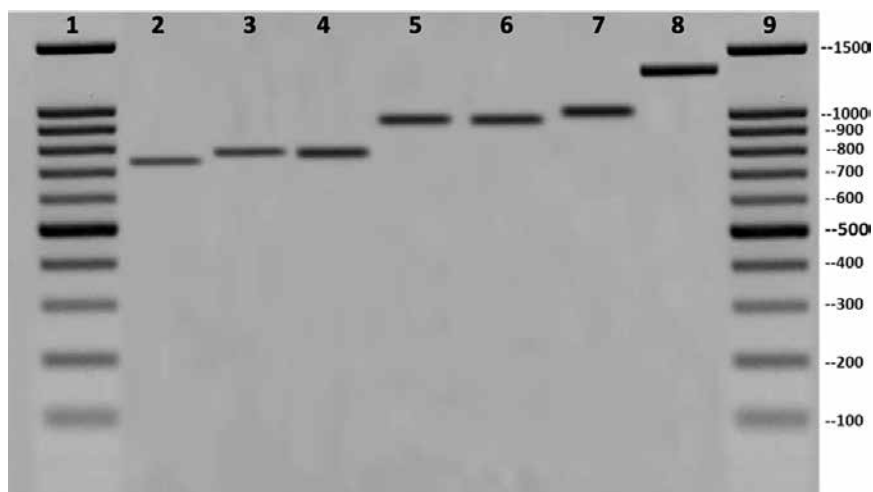


Figura 1. Amplificación del ITS-2: línea 1 y 9, marcador de peso molecular de 100pb; línea 2: *Panstrongylus herreri* (Bagua) 750pb; línea 3: *Panstrongylus herreri* (Cajabamba) 800pb; línea 4: *Panstrongylus herreri* (Cajamarca) 800pb; línea 5: *Panstrongylus herreri* (Ucayali) 960pb; línea 6: *Panstrongylus herreri* (Trujillo) 960pb; línea 7: *Triatoma infestans*-1000pb; línea 8: *Rodnius* sp.-1300pb.

AGRADECIMIENTOS

Al equipo técnico y profesional del Laboratorio de Serología y Bioquímica Parasitaria del Instituto de Investigación Daniel Alcides Carrión, Facultad de Medicina UNMSM, por el procesamiento de las muestras.

REFERENCIAS BIBLIOGRÁFICAS

- Guillén Z, Cáceres I, Elliot A, Ramírez J. Triatomos del norte peruano y su importancia como vectores de *Trypanosoma* spp. Revista Peruana de Entomología. 1988; 31(1):25-30.
- Cuba C, Abad-Franch F, Roldán J, Vargas F, Pollack L, Miles M. Los triatomos del norte del Perú, con énfasis en la ecología e infección por tripanosomas de *Rhodnius ecuadoriensis* (Triatominae). Mem. Inst. Oswaldo Cruz. 2002; 97(2): 175-183. DOI: <https://doi.org/10.1590/S0074-02762002000200005>
- Marin, E, Santillan, R, Cuba C, Jurberg J, Galvão C. Intra-domiciliary capture of *Panstrongylus rufotuberculatus* (Champion, 1899) (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae) in Piura, Peru. Cader-nos de saúde pública. 2007;23(9):2235-8. DOI: [10.1590/S0102-311X2007000900031](https://doi.org/10.1590/S0102-311X2007000900031)
- Solis H, Huamán A, Ferrer A, Tarqui K, Fajardo N, Rojas M, et al. Comunicación preliminar sobre la presencia de *Trypanosoma cruzi* en departamentos del norte y nororiente del Perú. An. Fac. med. 2012; 73 (1): 43-46.
- Cáceres A, Troyes L, Gonzáles-Pérez A, Llontop E, Bonilla C, Murias E, et al. Enfermedad de chagas en la Región Nororiental del Perú. I. Triatomos (Hemiptera, Reduviidae) presentes en Cajamarca y Amazonas. Rev. perú. med. exp. salud pública. 2002;19(1):17-23.
- Elliot A, Cáceres I, Guillén Z, Nakashima I. Identificación de los chinches triatomos (Hemiptera, Reduviidae) conocidos del Perú. Rev. Peru Entomol. 1988;31(1):18-20.
- Marcilla A, Bargues MD, Ramsey JM, Magallon-Gastelum E, Salazar-Schettino P, Abad-Franch F, et al. The ITS-2 of the nuclear rDNA as a molecular marker for populations, species, and phylogenetic relationships in Triatominae (Hemiptera: Reduviidae), vectors of Chagas disease. Mol Phylogenet Evol. 2001;18(1):136-142. DOI: [10.1006/mpev.2000.0864](https://doi.org/10.1006/mpev.2000.0864)
- Marcilla A., Bargues M, Abad F., Panzera F., Carcavallo R., Noireau F. et al. Nuclear rDNA ITS-2 sequences reveal polyphyly of *Panstrongylus* species (Hemiptera: Reduviidae: Triatominae), vectors of *Trypanosoma cruzi*. Infect Genet Evol; 2002; 1(3): 225-35.
- Ancca J, Pinto J, Vega S, Cáceres A, Náquira C. Características morfológicas, genéticas, alimenticias y vectoriales de *Panstrongylus herrerii* procedentes de Jaén (Cajamarca) y Cajaruro (Amazonas), Perú. Rev. perú. med. exp. salud pública. 2008;25(1):17-25.
- Cabrera CR. Enfermedad de Chagas o tripanosomiasis americana. En: Suarez OL, Beingolea ML, Nakamoto TI, Cabrera CR, compiladores. Protocolos de vigilancia epidemiológica. Parte I, 2da ed. Lima: Dirección General de Epidemiología, Ministerio de Salud; 2006: pp. 89-104.
- Bargues MD, Klisiowicz DR, Panzera F, Noireau F, Marcilla A, Pérez R, et al. Origin and phylogeography of Chagas disease main vector *Triatoma infestans* based on nuclear rDNA sequences and genome size. Infection, Genetics and evolution. 2006; 6(1): 46-62. DOI: <https://doi.org/10.1016/j.meegid.2005.01.006>
- Borges E, Pires H, Barbosa S, Nunes C, Pereira M, Romanha A, Diotaiuti L. Genetic variability in Brazilian triatomines and the Risk of domestication. Mem. Inst Oswaldo Cruz. 1999; 94(1):371-373. DOI: <https://doi.org/10.1590/S0074-02761999000700072>
- Lent H, Wygodzinsky P. Revision of the triatominae (hemiptera, reduviidae), and their significance as vectors of Chagas' disease. bull. am. museum nat. hist. 1979;163:179-460.
- Fraga J, Rodríguez J, Fuentes O, Fernández A, Castex M. Optimización de la técnica de ADN Polimórfico amplificado al azar (RAPD) para su utilización en la caracterización genética de triatomos cubanos; 2005. Revista del Instituto de Medicina Tropical de Sao Paulo. 2005;47(5): 295-300. DOI: <https://doi.org/10.1590/S0036-46652005000500010>
- Wygodzinsky P. Sobre *Panstrongylus* del Perú, con la descripción de una nueva especie (Triatominae, Reduviidae, Hemiptera). An. Inst. Med. Reg. Tucumán. 1948;2:197-208.
- Terassini FA, Stefanello C, Aranha LM, Ulises de Oliveira D. Primer informe de *Panstrongylus lignarius*, Walker, 1873 (Hemiptera, Reduviidae, Triatominae), en el estado de Rondônia, Brasil. Rev. Soc. Bras. Medicina. Trop. 2017;50(4):547-549. DOI: <https://doi.org/10.1590/0037-8682-0048-2017>
- Lima M, Vieira de Souza G, Lunier de Sousa J, Portela F, Aranha LM. First report of *Panstrongylus lignarius* (Walker, 1873) (Hemiptera: Reduviidae: Triatominae) in the State of Acre, Brazil. Rev. Soc. Bras. Med. Trop. 2019;52: e20180307. DOI: <https://doi.org/10.1590/0037-8682-0307-2018>
- Franzini E, Tays M, Marfil ACB, Vinicius M, Rodrigues V, Sales-Campos H, et al. El desarrollo de *Panstrongylus herrerii* en condiciones ambientales fluctuantes. Rev. Soc. Bras. Medicina. Trop. 2017;50(1):121-125. DOI: <https://doi.org/10.1590/0037-8682-0250-2016>
- Nevoa J, Mendes M, da Silva M, Soares S, Oliveira C, Ribeiro J. An insight into the salivary gland and fat body transcriptome of *Panstrongylus lignarius* (Hemiptera: Heteroptera), the main vector of Chagas disease in Peru. PLoS Negl Trop Dis. 2018; 12(2): e0006243. DOI: <https://doi.org/10.1371/journal.pntd.0006243>